



Identificatie van genetische afwijkingen in fibromyalgie door next generation sequencing/hoge resolutie SNP arrays van DNA in families met fibromyalgie.

Fibromyalgia (letterlijk: pijn in spieren en bindweefsel) herkent men aan de wijdverspreide en aanhoudende pijn, die voorkomt met moeheid, slaapproblemen, concentratieproblemen en meer. Uit recente studies blijkt dat fibromyalgie een prevalentie kent van ~1% in de totale volwassen populatie. Het blijft het gissen naar de onderliggende oorzaak van Fibromyalgie, met als gevolg het ontbreken van een doeltreffende behandeling. Ook de diagnose van fibromyalgie blijft een grote uitdaging.

Hoevele malen stelden we ze al niet, de vraag "Is fibromyalgie een genetische ziekte, en, is het overerfbaar?" - We weten nog steeds niet precies hoe fibromyalgie ontstaat, toch zijn er heel wat aanwijzingen om aan te nemen dat het een genetische aandoening is, het gevolg van 'foutjes' die in het DNA (het genetische materiaal van elke cel) sluipen.

De huidige technologische ontwikkeling hebben ertoe geleid dat we nu tegen een aanvaardbare prijs een enorme hoeveelheid informatie over het DNA kunnen bekomen (afwijkingen kunnen identificeren over het gehele genoom). We zullen ons in dit project in eerste instantie concentreren op families waarin binnen meerdere generaties fibromyalgie werd aangetoond en zoeken naar afwijkingen die in meerdere van de patiënten in dergelijke families voorkomen. Deze kunnen dan vervolgens verder worden bestudeerd in een grote groep van fibromyalgiepatiënten. De families worden momenteel geïdentificeerd door contacten met de verschillende biobanken en DNA van een grote groep fibromyalgiepatiënten werd verzameld binnen de Belgische Ziekenhuizen waaronder UZ Gent.